

Forskningshøjdepunkter

Siden vores seneste rapport er der blevet etableret et workflow mellem de forskellige teams og samarbejdspartnere for at sikre, at projektet forløber gnidningsfrit. Vi er gået videre med inklusionen af de første fire patienter samt med indsamlingen af dertilhørende vævsprøver fra tumor og tilstødende normalt væv (baggrund). Disse prøver er blevet behandlet i henhold til avancerede protokoller, som er blevet grundig optimeret gennem forskellige teknikker med henblik på at generere levedygtige enkeltcellesuspensioner af høj kvalitet. En standardoperativ protokol er nu på plads med henblik på at analysere prøverne yderligere ved hjælp af scRNA-seq og derved få et overblik over celletypesammensætningen og celletilstandene i disse væv.

Med udgangspunkt i de samme vævsbiopsier har vi udarbejdet protokoller med det formål at processere vævet til en ny fremvoksende teknologi inden for spatial transcriptomics, som muliggør visualiseringen af, hvordan de forskellige celletyper, som findes i både tumoren og dens mikromiljø, interagerer og potentielt dirigerer det omkringliggende immunsystem i retning af enten anti-tumor eller pro-tumor adfærd. Samtidig med vævsindsamlingen har vi også indsamlet blodprøver fra de samme patienter før og efter behandling, hvilket vil give os et omfattende overblik over tumorens mutationsbyrde samt afdække den cellulære heterogenitet, hvilket vil komplementere vores scRNA-seq data.